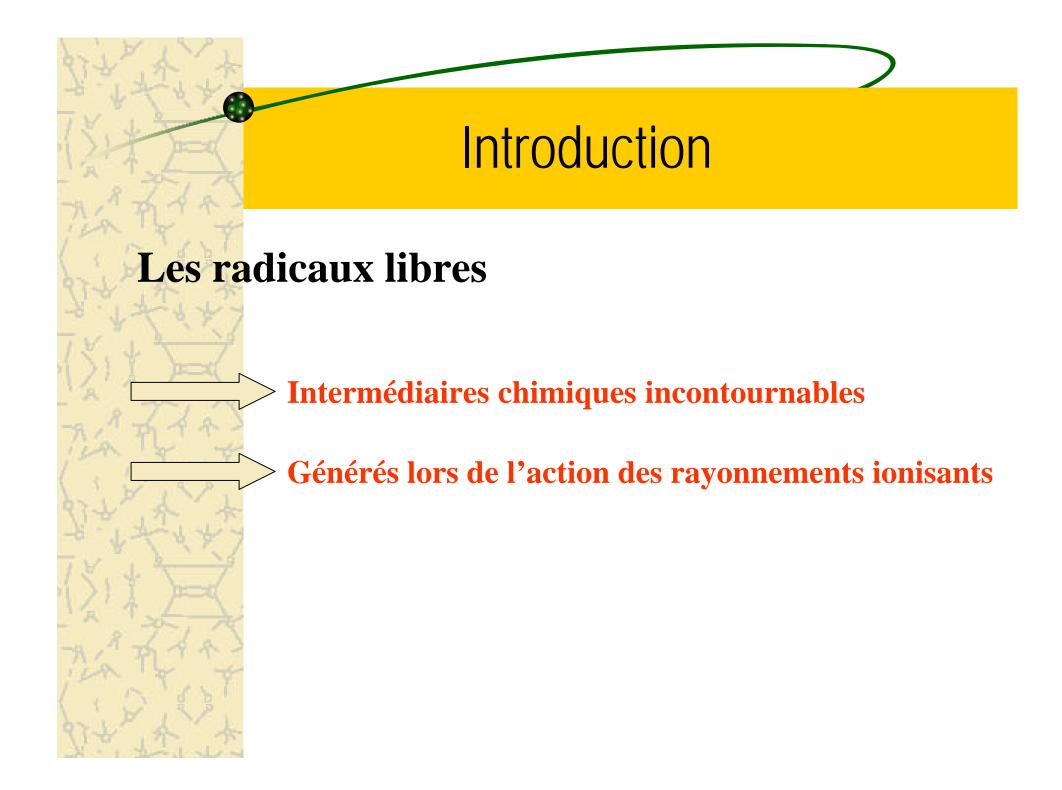
Les nouvelles orientations en radiobiologie et radiopathologie SFRP - 18 novembre 2004

De la physico-chimie à la radiobiologie
Les radicaux libres

Pr. Monique Gardès-Albert

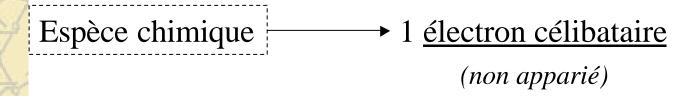


Laboratoire de Chimie-Physique CNRS UMR 8601 Université Paris 5 45, rue des Saints Pères 75270 Paris cedex 06



Introduction

Qu'est-ce qu'un radical libre?





Réaction d'échange d'un seul électron

Exemples: 'OH, O₂'-, 'CH₃

Introduction

Conséquences de la grande réactivité

Radicaux libres Durées de vie très brèves

Quelques nanosecondes (10-9 s)

à

Quelques millisecondes (10⁻³ s)

Les réactions bioradicalaires ont des cinétiques rapides

Cibles biologiques

Première étape de l'action des rayonnements ionisants

ADN
$$\longrightarrow$$
 ADN⁺ + e⁻

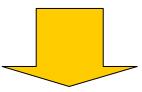
.

La radiolyse de l'eau en milieu aéré

Source de radicaux libres et d'espèces réactives de l'oxygène

'OH, O₂'', H₂O₂

Susceptibles d'attaquer tous les matériaux biologiques (effet indirect)



STRESS OXYDANT initié par les rayonnements ionisants

·OH + ADN

Deux types de radicaux libres

→ Addition sur les bases (80 %)

→ Arrachement d'atome H sur les sucres (20 %)

Dommages chimique stables

Bases oxydées ----- En particulier la guanine

Cassures de brins (CSB ou CDB) → Evolution des radicaux sucres

Pontages ADN-protéines

Si pas de réparation → mutations (modification du génome), mort cellulaire

Cibles potentielles

Tous les acides aminés sont des cibles potentielles des radicaux libres

→ a.a aromatiques

```
Trp → Trp(OH), N-formylkynurénine, ...

Phe → Phe(OH), Phe(OH)<sub>2</sub>, ...

Tyr → (Tyr)<sub>2</sub>, Phe(OH)<sub>2</sub>, ...

His → oxoHis, ...
```

→ a.a soufrés

```
Cis → Cystine
Met → MetSulfoxyde, ...
```

→ a.a aliphatiques (carbonylation)

```
Thr → acide 2-amino-3-cetobutyrique, ...

Pro → Pro(OH), semi-aldéhyde butyrique, ...

Lys → semi-aldéhyde α-aminoadipique, ...
```

Autres dommages oxydatifs : fragmentation de la chaîne peptidique

Protéines

Modélisation du stress oxydant in vitro

→ *via* la radiolyse de l'eau

Problématique

Identifier et **caractériser** les dommages oxydatifs de protéines soumises à l'action de rayonnements ionisants

Déterminer les **mécanismes de formation** de ces modifications oxydatives

Analyse protéomique par MS

Spectrométrie de masse (MS) moléculaire

Caractérisation de la protéine

Séquence des acides aminés

Bases de données (Internet)

Modifications post-traductionnelles Modifications chimiques

Phosphorylation Glycosylation Nitrosylation Oxydation

MS supramoléculaire \rightarrow maintien des liaisons non-covalentes

Caractérisation du complexe

Partenaires d'interaction (Protéine, ligand, ion métallique) Stoechiométrie

Analyse protéomique par MS

Démarche

Sélection de la protéine étudiée

Radiolyse gamma (in vitro)

stress oxydant – espèces réactives de l'oxygène (ROS)

Analyse protéomique

- digestion enzymatique
 - *MS*
 - HPLC/MS-MS

Etude cinétique

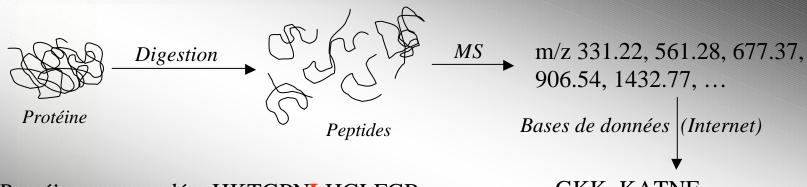
- disparition d'acides aminés
- apparition de produits d'oxydation

Identifications et mécanismes réactionnels

- sites d'attaque (a.a.)
- types de produits formés
- mécanismes d'oxydation bio-radicalaire

Analyse protéomique par MS





Protéine non-oxydée HKTGPNLHGLFGR

Protéine oxydée HKTGPNL*HGLFGR

Développement méthodologique



Acide(s) aminé(s) oxydé(s) + type d'oxydation

Identification précise des positions

Carbonylation, peroxydation, ...

- Protéine de la chaîne respiratoire mitochondriale (12 384 Da, 104 a.a.)
- Rôle important dans l'apoptose
- Sensible à l'environnement lipidique
 - Phospholipides anioniques (2 sites)

Analyses produits d'oxydation + données cinétiques = MECANISMES

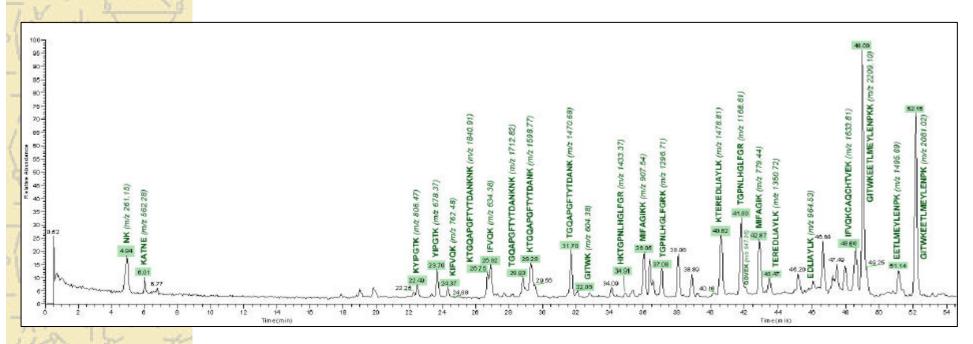
- → Carbonyles (2,4-dinitrophénylhydrazine)
- → Tryptophane
- → diTyrosine
- → Électrophorèse sur gel de polyacrylamide, coloration au bleu de coomassie (intégrité de la protéine)
- → Western blot/immunorévélation (fragments)

Projet

Identification et caractérisation (HPLC/MS-MS) : séquences peptidiques oxydées et a.a. carbonylés – Fragmentation oxydative

Chromatogramme HPLC/MS

→ Cyt c non irradié, après digestion tryptique



23 peptides détectés → 97% de couverture de séquence

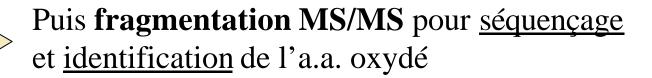
Cyt c irradié (600 Gy) — comparaison avec cyt c témoin

Peptides oxydés (600 Gy)

TGPNLHGLFGR (+16)
GITWKEETLMEYLENPK (+16)
MIFAGIKK (+16)
KTEREDLIAYLK (+16)

YIPGTK (+16)

Détection de peptides oxydés



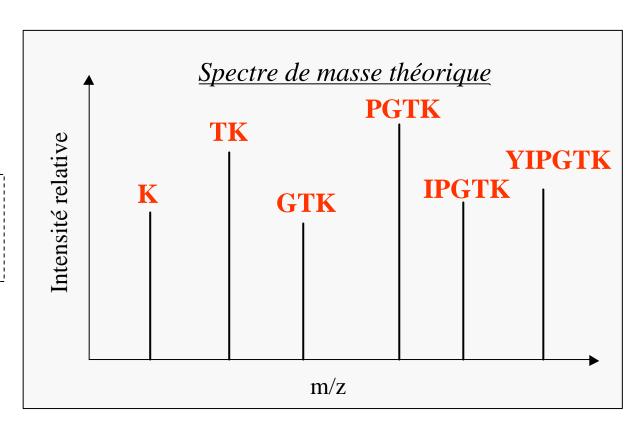
Fragmentation MS/MS

→ Coupures au niveau des liaisons peptidiques

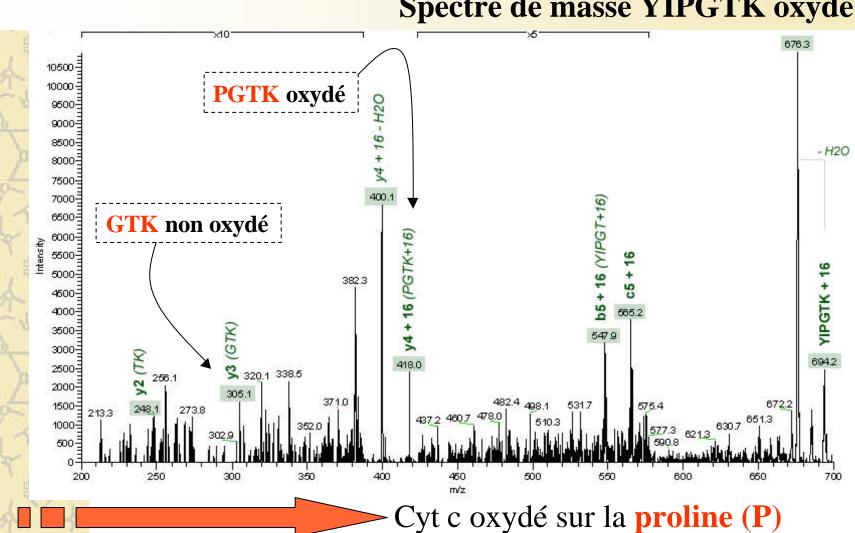
Ex: YIPGTK

écarts entre les pics

masses des a.a.



Spectre de masse YIPGTK oxydé



L'équipe...



UFR Biomédicale des Saints-Pères

- Monique Gardès-Albert
- Daniel Jore
- Fabrice Collin
- Samy Rémita
- **&** Catherine Marchetti
- Heidi Vitrac
- Hadi Milane
- Hania Khouri
- Jamila Mekloufi
- Juliette Thariat



<u>UFR de Pharmacie</u> (collaborations)

- Dominique Bonnefont-Rousselot
- Patrice Thérond
- Alain Legrand